

# CERTIFICAT GENETIQUE

7 / 1

**M. Guy GROUSSON**  
630 chemin de Say  
26250 Livron sur Drome

Nom : **Ixcel**

Race : **Berger Blanc Suisse**

N° Identification : **250268500672981**

N° Pedigree : **16759/1999**

Sexe : **Mâle**

Date de naissance : **08/12/2013**

N° de prélèvement : **460437**

Type de prélèvement : **Frottis buccal**

Date de prélèvement : **07/05/2015**

Préleveur :

**GUFFANTI Marco**

**26120 Malissard**

N° officiel du préleveur : **16236**

N° de dossier : 104746

Date de réception : **28/05/2015**

N° animal : 122590

Code résultat : 176506

## Identification génétique

AHT121	AHT137	AHT130	AHT171	AHT260	AHTk211	AHTk253	AMEL	CXX279	FH2054	FH2848
<b>GN</b>	<b>GJ</b>	<b>MN</b>	<b>HH</b>	<b>LN</b>	<b>LN</b>	<b>KM</b>	<b>XY</b>	<b>JO</b>	<b>BD</b>	<b>NO</b>
088/102	131/137	127/129	219/219	244/248	091/095	284/288	X/Y	116/126	152/160	240/242

INRA21	INU005	INU030	INU055	REN105L03	REN162C04	REN169D01	REN169O18	REN247M23	REN54P11	REN64E19
<b>JJ</b>	<b>MN</b>	<b>KM</b>	<b>PP</b>	<b>LP</b>	<b>MM</b>	<b>KK</b>	<b>LL</b>	<b>JK</b>	<b>KK</b>	<b>MQ</b>
095/095	124/126	146/150	218/218	233/241	206/206	212/212	162/162	268/270	226/226	145/153

Résultat établi le 02/06/2015  
Certificat édité le 15/06/2015

### Explication:

L'empreinte génétique est conformé à la norme ISAG 2006. À chaque locus microsatellite, un marqueur n'est pas présent chez tous les individus pris au hasard dans une population. Le laboratoire ANTAGENE mesure la présence de ces marqueurs et indique le résultat à 99%.

Carte d'identité génétique

nom : **Ixcel**

race : **Berger Blanc Suisse**

sexe : **Mâle**

naissance : **08/12/2013**

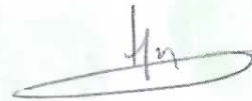
identification : **250268500672981**

pedigree : **16759/1999**

préleveur :  
**Dr M. GUFFANTI**  
(Malissard, 26120)  
date : **07/05/2015**  
numero : **460437**

GN GJ MN HH LN LN KM XY JO BD NO  
JJ MN KM PP LP MM KK LL JK KK MQ

**Lina MUSELET**  
Ingénieur en génétique



Ilites reconnus au niveau international et répondant à la norme ISAG  
ésés par une lettre (de A à Z). La présence éventuelle du symbole (-)  
. La probabilité d'obtenir des empreintes génétiques différentes pour

fiabilité (sensibilité, spécificité), qualité et traçabilité pour garantir le