

Animal : **Thaoula des Loups Anges de Kaina**

N° d'identification : **250 268 600 366 794**

Race : **Berger Blanc Suisse**

Sexe : **Femelle**

Date de naissance : **19/03/2022**

Résultat établi le : **12/08/2022**

Propriétaire : **Guy GROUSSON**

N° de prélèvement : **E00815856** (prélevé le 28/07/2022)

Code résultat : **A00008132**



Prélèvement effectué par :

Romain NORMAND (Vétérinaire - N° d'ordre : 22960)

Document établi le : **12/08/2022**

MALADIES	GÈNE Mutation	Mode d'expression	RÉSULTAT	EXPRESSION	TRANSMISSION
Myélopathie Dégénérative (DM)	SOD1 c.118G>A	Autosomique récessif	Homozygote normal	✓	✓
Nanisme Hypophysaire	LHX3 7pb del intron 5	Autosomique récessif	Homozygote normal	✓	✓
Sensibilité Médicamenteuse (MDR1)	MDR1 c.227_230delATAG	Autosomique codominant	Homozygote normal	✓	✓
Déficit d'Adhérence Leucocytaire (LAD3)	FERMT3 c.1349_1350insAAGACGGC TGCC	Autosomique récessif	Homozygote normal	✓	✓

EXPLICATIONS
Homozygote normal : l'animal possède 2 copies normales du gène.
Hétérozygote : l'animal possède une copie normale et une copie défectueuse du gène.
Homozygote muté : l'animal possède 2 copies défectueuses du gène.

EXPRESSION	TRANSMISSION
 L'animal ne développera pas la maladie associée à la mutation testée.	L'animal ne transmet pas la mutation testée.
 L'animal développera la maladie sans pouvoir prédire l'âge d'apparition ni la gravité des symptômes.	L'animal transmettra la mutation testée à tout ou partie de sa descendance. La reproduction est à éviter ou à adapter selon la maladie et la fréquence associée.

Animal : **Thaoula des Loups Anges de Kaina**N° d'identification : **250 268 600 366 794**Race : **Berger Blanc Suisse**Sexe : **Femelle**Date de naissance : **19/03/2022**Résultat établi le : **12/08/2022**Propriétaire : **Guy GROUSSON**N° de prélèvement : **E00815856** (prélevé le 28/07/2022)Code résultat : **A00008132**

Prélèvement effectué par :

Romain NORMAND (Vétérinaire - N° d'ordre : 22960)Document établi le : **12/08/2022****CARACTÈRES MORPHOLOGIQUES**

	GÈNE Mutation	Mode d'expression	RÉSULTAT
Longueur du Pelage	FGF5 c.284G>T	Autosomique récessif	Homozygote poil long
Poil Bouclé ou Ondulé (c ¹)	KRT71 c.451C>T	Autosomique dominant	Poil bouclé ou ondulé (C/c¹)
Polydactylie	LMBR1 DC-2	Autosomique dominant	Non porteur
Shedding	MC5R g.24430748C>T	Autosomique codominant	Chute de poils abondante